SEQUENCE LISTING

<110>	Universite De Koninc De Koninc Coull, Je	k, Yves k, Paul	· · ·	. · · . · · · .				·· · ·		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			
<120>	CNS chlor	ide modu	latio	n and i	ıses	ther	eof	•	•		. ·		
<130>	85409-29						·	•		٠			·
<150> <151>	US 60/470 2003-05-1	•			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·					· · · ·			
<160>	8					٠	•		• • •				
<170>	PatentIn	version	3.2	· :			•					•	·
<210><211><212><213>	1 5907 DNA Homo sapi	ens									· · .		
<220> <221> <222>	CDS (1)(335	1)										· .	
<400>	1		~~~ .			. : 		-i		·		••	
	c aac aac o Asn Asn												48
	t gat ggc y Asp Gly 20									-			96
	a gag aag ir Glu Lys 35												144
	g gag atg u Glu Met		- .	-				_		_	~ ~		192
	c aac tac a Asn Tyr												240
	a aac aat u Asn Asn												288
	c acc ttc y Thr Phe 100												336

	•			•								•									
				•		· · .	•		· · · ·				•		, .						
	•		•			•	·	·				•		• .							
	_												4				384	. •		· · ·	
Sly V		Ile 115	Leu	Phe	Leu	•	Leu 120	Thr	Tṛp	Val	Val	125	Ile	Ala	Gly.						
le	_			•	Cys								tgt Cys		atg Met		432				
	_	_	•		_	• •	-		-	_		•	_		cct Pro 160	_	480	· .	٠.		
gct (ggt Glv	ggc Gl v	tcc Ser	tac Tvr	tac	atg Met	att Tle	tcc Ser	agg Arg	tct	ctg Leu	ggc Glv	cca Pro	gag Glu	ttt Phe	.·	528				
	•		•	165				•	170			· .	:	175	•				·		
		_									_		ttt Phe 190		Gly		576				
_	_			_									tác Tyr		ttc Phe		624	· .			
Pro	_	_	_					•	•	Ala		Gly	gag Glu		gca Ala	• . •	672				
											·Cys				tgc Cys 240		720			· .	
_	_	•			Phe			_	_	Tyr	_		. –		gcc Ala		768		•		
				Gly					Ser					Tyr	gct Ala		816				
			Lys					Pro					Ile		ctc Leu		864	, <i>÷</i>			
			_	_	_		Arg					Val		•	aag Lys		· . 912				
	gct					gag Glu	acg				cgc Arg	, cta			ctt Leu 320		960		· .	·	
ttc	_			Arg	ttc Phe	ctc			Thr	tgt Cys	gat			Phe	acc Thr		1008	}			
cga	aac	aat	gto	325 aca	•	ato	caç	ı ggc	330 atc	•	ggt	gct	geo	335 agt	ggc		1056	5			
			•		·										•			. •	·		
							:		. :	74			·		٠.	••••••			. ··		
			٠.		٠,			•						• .	•	-	. :				

				. •				· .·		•				•	·.	. •	· ·				
				•					·		•										
									•						•		٠	:			
Arg	A	sn	Asn	Val 340	Thr	Glu	Ilė		Gly 345		Pro	Gly	Ala	Ala 350	Ser	Gly	•		. · · ·	•	
		lle		-												att		1104			
	. 0		Arg			atg Met										cċt Pro	÷	1152			
	. F	_	_	_								Met		•		ttc Phe 400	· :. ·	1200	·		
		_	_	_		atc						•				gct Ala		1248			
					Ser		_						Lys		Ile	ccc	••	1296		. •.	•
				Ile				•	•							agc Ser		1344			
	r '							Cys					Val			gac Asp		1392			
	S						Asn			Leu		Val				gcc Ala 480		1440			
_	-					Val					Ser		•			tgt Cys		1488			
					Gln					Ala					Glr	gcc Ala		1536	: · .		
				Asp					Phe					Gly		ggc Gly		1584			
			Asn					Trp					Thr			e atc s Ile		1632			
_	S				/ Ile		Ile	_				Glu		•		atc lle 560		1680			
			_	-		_	_	-								c tgt a Cys		1728	٠.		
								<i>:</i> .			75										
													·	•	•				,		

•				. ·										
	·	÷				· .						•		. · · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
1776	1824	1872	1920	1968	2016	2064	2112	2160	2208	2256	2304	2352	2400	, , ,
		• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •	·	•					•					
			_ •									•		
			Lys 🔻	•				His		•	• –		Thr	
. –	_	_	_ •				_			_	_			
Pro .	•		_					_					_	
	••	-	_				_	_		_			Arg	
		_		Ser			Lys		Arg	•			-	76
		_			His		_	•		Ile			_	
			_				-				Gly			
aca Thr	ttc Phe 600	tat Tyr	att Ile	ctg Leu	ccc	gtg Val 680	Ser	gag Glu	tct Ser	gtg Val	tcc Ser 760	ccc Pro	att Ile	
	,		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	•	•					_	_		Phe	
_	•	Ser			_		_		•	Cys				
_		_	Tyr		_			Ser			_			
_					-					Gly	His			
_				_	_		Leu		_	-		Val	_	
_		_					_		_				Gln	
			_	-					_	_				

					•		٠.		·. ·	. •			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·				•	
			Ala			•		aag Lys		Val		Met	Phe		Gly	•	2448	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·
		Glu	_	Phe		Glu						Trp		_	gtg Val		2496	•
	Asp		Gly			Met		ctg Leu			Leu						2544	
Lys	_			_	-	-	Met			Phe		Val			atg Met		2592	
_	_		_			Met		aag Lys	•	•	Thr			Leu			2640	·
					Ala			gag Glu		Val					•		2688	
_	•			Tyr			-, -	aag Lys 905	Thr					Gln	cgt Arg	•	2736	
			Leu					Leu					Arġ		cgg Arg		2784	
		Gln	_				Glu	tca Ser				Ile				· ·	2832	
	Pro	_		-	•	, Leu					Pro				gct Ala 960		2880	
					ı Lys			g gag 1 Glu		val					Asp.		2928	
_	_			o Ser	•				Ser					/ Glu	g gag ı Glu		2976	
			y Glu			-	-	p Pr				al Hi			acc to Thr Ti		3024	
acc Thr	aag Lys 101	s As	ıc aa sp Ly	ıg tc ≀s S€	er Va	al Al	ca g la G 015	gag a Glu L	ag a ys A	at a sn I	ys G	Sly.	ccc Pro	Ser	cct Pro		3069	
			,			·		•		77	·	· . "						

•	• • •						
Val Ser Ser	gag ggc atc Glu Gly Ile	Lys Asp	Phe Phe Ser			3114	
1025		1030				21.50	•
	ttg aac cag Leu Asn Gln				•	3159	
	g aac gag gtc n Asn Glu Val					3204	
	g ctc aac atg 1 Leu Asn Met					3249	
	tac atg gag Tyr Met Glu	Phe Leu		-	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	3294	
-	g atg ctg gtc L Met Leu Val		Gly Gly Arg	•		3339	
atc tac tcc Ile Tyr Ser 1115	c tga gaaccag	gtc ctgcca	acccg ggcccga	agcg cgcccg	gccc	3391	
gcggctccgg a	agecetégee ge	gccccccg c	ccgctgtcac co	gtttacata c	agaccetgt	3451	
gcccgtgtcc t	tggcccctta cc	ccgctgcc t	gaagcccgg ac	ggccacgcc t	gttggggct	3511	
gattcggaga g	gggcgccccg cc	gcgcagag a	accagagete c	tcagtgcca g	tttggcccc	3571	
tgggtcttcg d	ctgccctttt tc	taagcccg g	geetegtete ge	ccggaggag a	cgctgcaat	3631	
aaaggttggg a	agaaggcgcg ga	aaggagag g	gagctggggc c	ttggggacc c	ccaggtagt	·3691	
ccatgcggcc d	cattcctccc ct	tcccactc c	ccgccgcggt c	ctcgctctg c	gctcctccg	3751	
gcgctgctcc d	ctggctcccg go	ggcccgga g	ggcccgcggg g	tgggaaggc c	gcgcttgcc	3811	
gtctccgccg (ccccttctcg co	gagccgtg c	gggcgcgggc g	gccgagcct a	tacatagtg	3871	
tacaggagac a	atcgcgtgta tt	tttaacgt c	cccatattt a	tgtgactag a	agcgcaaca	3931	
gacttctcgc (catagtcgag ct	ctcccgct g	gggggcactg c	ggggaggcg a	aggcctcggg	3991	
aagctgaatt t	ttccttgacg to	caagagtt t	tgagagcgaa a	gtgctttag c	gcccaggcgg	4051	
gggtcgtggc	ctcgttccct c	jacacctcc c	gtcctgctct c	gcctcttcg c	cctttccgc	4111	
gcgcccttgg	cttcccaccc to	ctctccag t	tccttttccg a	gatgaggtg a	agacaagggt	4171	
ccaacttttc	ctggattcgc ct	cccagcgg a	acgtgagctt c	cactgcggc t	gcagagacg	4231	
cgagcaacct, (cttctcatcg go	ctcttatgc a	aagttggggc c	aggataggg g	gagggtgct	4291	
		· .	78			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
		· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·					
		٠					

cctcaagagg aagaaaccga gaggcccgcg ccccaccgag gaagccccgc cccggtgcct tcgctgggga gcaggcgtct ctcctcagtc ggcttgtcgc ctgctccccg tatcccatgg ctcctcgcca aagactgaaa ttgtggagct ggagggcgcc ccctccccgg agtttcctcc 4471 ctgggacaag tgagggagga gggggccgat tctggtttag gggccggacc cactgagagg 4531 ccccagagee gecegtgatg tteeteece gteeceatet ggeageteet gtetegeetg 4591 agggacccag ccgccttctc cgtgctctgg ggccgggcct cgctgcttag cagcggcctc 4651 tageteegte teeeggggae etgggeetga gggagggetg gagteageae gegetttgte 4711 cttagcgcct gtctgctctc ctctaactag gacccagggc ctttggcttc cccagctcat 4771 ccttggccct tccgctccac cagcctggtc tgaggcgtgc tctgtcctta gagaaggcgc 4831 ggtggccggg ttcccttccc ctagggcaca ttactaaggg ggtcaggcac tgcatgctcg 4891 ttccagcacc atctgggact gggtacagta cctccagccc cagggccctg acctgcgcac 4951 ctagcttgac atctcacgca cctcccagag ctggcgccac tgagtaatcc ggacctcacc 5011 acctcttttc ctttgagccc aaggcagagc tagagctgga gctggcgcca cccagacagc 5071 gtcaggtgtg gctggggtag gtttggaggt ctgccagtta cgccaagtcc cctctgagat 5131 tcgatcaggg gactggatag attctttcag gtactcaatc aggaagctgg aggtgttaga 5191 caccagecee etgeateett cagtagaeet eeetetgaae accaeageea ggteetgeet 5251 tctgggggcc tgaatattcc agagctgatg tgatgggctg tgcagaaggg ggctgtatca 5311 acatcaatta gggaaccaaa gttgcactat ctgggcccag attgtctggt tggcaagagc 5371 aaagtttccg ttgatgaaac agacatccca caacaaaaac ccaagttttc tgtgctacat 5431 gtgcaatatt tgttatgaat gttatcacaa gtcattcatc aagttatctt tataatcact 5491 gtagttagat gtttcatgtc cattcaagtg acttttattc tgagtgcaat atttcaatag 5551 5611 gaagttgaaa ccccttggta ataggagagg ttgcaaacca aatcaagagt atttattact 5671 attactgcta ttattattag gcctgccttt aattttcagt gtaagtgttc agtatgccgc 5731 atcctgcctc agtattgatc ttgtgttctt tgtgccaata tgaaaaggag agggttggtt 5791 ctttccttta ttgttgaatg ctcccattta atgctttatg gcttttactg tattactttt 5851 ttagactccc gtctgcacaa aatgcaataa aaataatttt attataaaaa aaaaaa 5,907

<211 <212	!>	1116 PRT	•				. •			,•			· · · · :	•	
<213	5 >	Homo	sapı	Lens				•	•			. •			
<400)>	2					٠			·		•			
Met 1	Pro	Asn	Asn	Leu 5	Thr	Asp:	Cys	Glu	Asp 10	Gly	Asp	Gly	Gly	Ala 15	Asn
				-	•	•	• • •		•						•
Pro	Gly	Asp	Gly 20	Asn [.]	Pro	Lys	Glu	Ser 25	Ser	Pro	Phe	Ile	Asn 30	Ser	Thr
				•					•	· · · ·	• •		•.		
Asp	Thr	Glu 35	Lys	Gly	Lys	Glu	Tyr 40	Asp	Gly	Lys	Asn	Met 45	Ala	Leu	Phe
							•				·•		•	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	·
Glu	Glu 50	Glu	Met	Asp	Thr	Ser 55	Pro	Met	Val	Ser	Ser 60	Leu	Leu	Ser	Gly
						·			•	•	· .	•			
Leu 65	Ala	Asn	Tyr	Thr	Asn 70	Leu	Pro	Gln	Gly	Ser 75	Arg	Glu	His	Glu	Glu 80
_ :_		_	_							•					•
Ala	Glu	Asn	Asn	Glu 85	Gly	GTA	Lys	_	Lys 90	Pro	Val	Gln	Ala	Pro 95	Arg
	_		•	•	· 						٠.			•	
Met	Gly	Thr	Phe 100	Met	Gly	Val		Leu 105	Pro	Cys	Leu	Gln	Asn 110	Ile	Phe
	·	_			<u>-</u>		_						. •		
Gly	Val	115		Phe	Leu	Arg	Leu 120	Thr	Trp	Val	.Val	Gly 125		Ala	Gly
							: .	٠.	•	٠.				•	
Ile	Met 130	_	Ser	Phe	Cys	Met 135	•	Phe	Ile		Cys 140	•	Cys	Thr	Met
<u></u>		_ •	4	_ ·		_		· _ ·	•			·	•		_ ·
Leu 145		Ala	. Ile	Ser	Met 150		Ala	Ile	Ala	Thr 155	Asn	Gly	Val	Val	Pro 160
•						٠	•			•		œ ·	· ·		
Ala	Gly	y Gly	Ser	Tyr 165	-	Met	Ile	Ser	Arg 170	Ser	Leu	Gly	Pro	Glu 175	Phe
					· .		• .		•. •						
Gly	Gly	/ Ala	Val 180	_	Leu	Cys	Phe	Tyr 185		Gly	Thr	Thr	Phe 190	Ala	Gly
	•						.`		· ·	: . :	•	•			•. •
Ala	Met	Tyr 195		Leu	Gly	Thr	Ile 200		Ile	Leu	Leu 	Ala 205	•	Leu	Phe

			•	•			**										•				
•											•	• •		· ·.						•	
															. •			•.•	٠.	•	
				•			· .	•		•	. •		•	, ·			· · .	•			
	Pro	Ala 210	Met	Ala	Ile	Phe	Lys 215	Ala	Glu	Asp	Ala	Ser 220	_	Glu	Ala	Ala		٠			
			•									•	•	• •							
	Ala 225	Met	Leu	Asn	Asn	Met 230	Arg	Val	Tyr	Gly	Thr 235		Val [·]	Leu		Cys 240		· .			
					• .	٠					·			•			•		•		
	Met	Ala	Thr	Val	Val 245	Phe	Val	Gly	Val	Lys 250		Val	Asn	Lys	Phe 255						
					·					• .		٠	•				·				
	Leu	Val	Phe	Leu 260	Gly	Cys	Val	Ile	Leu 265		Ile	Leu	Ala	Ile 270	-	Ala				٠	
						٠					• .		: .				·				
	Gly	Val	Ile 275	Lys	Ser	Ala		Asp 280		Pro	Asn	Phe	Pro 285	Ile	Cys	Leu		• •	• .	·	
		٠	٠	٠												•	•				
	Leu	Gly 290	Asn	Arg	Thr	Leu	Ser 295	Arg	His	Gly	Phe	Asp 300		Cys	Ala	Lys	•				
					,	•		•		' .	•			٠,٠							
· .	Leu 305	Ala	Trp	Glu	Gly	Asn 310	Glu	Thr	Val		Thr 315		Leu	Trp	. –	Leu 320		.:			•
		_		•								,						•			
	Phe	Cys	Ser	Ser	Arg 325	Phe	Leu	Asn	Ala [·]	330 330		Asp	Glu	Tyr	Phe 335	Thr					
	Arg	Asn	Asn		•	Glu	Ile	Gln			Pro	Gly	Ala	-	Ser	Gly					
				340	•				345	•				350							
	Leu	Ile	Lys 355		Asn	Leu	Trp	Ser 360		Tyr	Leu		Lys 365	Gly	Val	Ile	•			·.	
		·		••.			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	•		· · · ·			,	•	. ·			· ·			
	Val	Glu 370		Ser	Gly	Met	Thr	Ser	Val	Gly	Leu	Ala 380	•	Gly	Thr	Pro	÷.				
			•	·	٠.								· .							٠.	· ·
	Ile 385	Asp	Met	Asp	His	Pro		Val	Phe	Ser	Asp 395	Met	Thr	Ser	Tyr	Phe	· .				
				,														•			
	Thr	Leu	Leu	Val	Gly 405		Tyr	Phe	Pro	Ser 410		Thr	Gly		Met		· · ·	•			
										•		· .									
	Gly	Ser	Asn	Arg 420		Gly	Asp	Leu	Arg 425		Ala	Gln	Lys	Ser 430		Pro	· ·		· .		

Thr Gly Thr Ile Leu Ala Ile Ala Thr Thr Ser Ala Val Tyr Ile Ser Ser Val Val Leu Phe Gly Ala Cys Ile Glu Gly Val Val Leu Arg Asp Lys Phe Gly Glu Ala Val Asn Gly Asn Leu Val Val Gly Thr Leu Ala Trp Pro Ser Pro Trp Val Ile Val Ile Gly Ser Phe Phe Ser Thr Cys 4.90 Gly Ala Gly Leu Gln Ser Leu Thr Gly Ala Pro Arg Leu Leu Gln Ala Ile Ser Arg Asp Gly Ile Val Pro Phe Leu Gln Val Phe Gly His Gly Lys Ala Asn Gly Glu Pro Thr Trp Ala Leu Leu Leu Thr Ala Cys Ile Cys Glu Ile Gly Ile Leu Ile Ala Ser Leu Asp Glu Val Ala Pro Ile 5,45 Leu Ser Met Phe Phe Leu Met Cys Tyr Met Phe Val Asn Leu Ala Cys 570. 575° 5.65 Ala Val Gln Thr Leu Leu Arg Thr Pro Asn Trp Arg Pro Arg Phe Arg Tyr Tyr His Trp Thr Leu Ser Phe Leu Gly Met Ser Leu Cys Leu Ala Leu Met Phe Ile Cys Ser Trp Tyr Tyr Ala Leu Val Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu Tyr Arg Gly Ala Glu Lys Glu Trp Gly Asp Gly Ile Arg Gly Leu Ser Leu Ser Ala Ala Arg Tyr Ala Leu Leu Arg Leu Glu Glu Gly Pro Pro His Thr Lys Asn Trp Arg Pro

		•				•		•		•			•	•	
Gln	Leu.	Leu 675	Val	Leu [.]	Val	Arg	Val 680	Asp.	Ģln	Asp	Gln.	Asn 685	Val	Val	His
Pro	Gln 690	Leu	Leu	Ser	Leu	Thr 695	Ser	Gln	Leu	Lys	Ala 700	Gly	Lys	Gly	Leu
Thr 705	Ile	Val	Gly	Ser	Val 710	Leu	Glu	Gly		Phe 715	Leu	Glu	Asn	His	Pro 720
Gln	Ala	Gln	Arg	Ala 725	Glu	Glu	Ser		Arg 730	Arg	Leu	Met	Glu	Ala 735	Glu
Lys	Val	Lýs	Gly 740	Phe	Cys	Gln	Val	Val 745		Ser	Ser	Asn	Leu 750	Arg	Asp
Gly	Val	Ser 755	His	Leu	Ile	Gln	Ser 760	-	Gly	Leu	Gly	Gly 765	Leu	Gln	His
Asn	Thr 770		Leu	Val	Gly	Trp 775	Pro	Arg	Asn	Trp	Arg 780	•	Lys	Glu	Asp
His 785	Gl'n	Thr	Trp		Asn 790	Phe	Ile	Glu	Leu	Val 795		Glu	Thr	Thr	Ala 800
Gly	His	Leu	Ala	Leu 805	•	Val	Thr	Lys	Asn 810		Ser	Met	Phe	Pro 815	Gly
Asn	Pro	Glu	Arg 820		Ser	Glu	Gly	Ser 825		Asp	Val	Trp	Trp 830	Ile	Val
His	Asp	Gly 835	_	Met	Leu	Meț	Leu 840		Pro	Phe	Leu	Leu 845		His	His
Lys	Val 850		Arg	Lys	Cys	Lys 855		Arg	Ile	Phe	Thr 860		Ala	Gln	Met
Asp 865	_) Asn	n Ser	·Ile	Gln 870		Lys	Lys	Asp	Leu 875		Thr	Phe	Leu	Tyr 880
His	Leu	ı Arç	, Ile	Thr 885		Glu	ı Val	Glu	Val	•	Glu	ı Met	His	Glu 895	Ser

Asp	Ile S	•	Ala ' 900	Tyr	Thr	Tyr	Ģlu	Lys 905	Thr	Leu	Val	Met	Glu 910	Gln	Arg
Ser	Gln I 9	le :	Leu	Lys	Gln	Met	His 920	••	Thr	Lys	Asn	Glu 925	Arg	Glu	Arg
Glu	Ile G 930	ln :	Ser	Ile	Thr	Asp 935		Ser	Arg	_	Ser 940		Arg	Arg	Lys
Asn 945	Pro A	la .	Asn	Thr	Arg 950	Leu	Arg	Leu	Asn	Val 955		Glu	Glu	Thr	Ala 960
Gly	Asp S	Ser	Glu	Glu 965	Lys	Pro	Glu	Glu	Glu 970	•	Gln	Leu	Ile	His 975	. –
Gln	Ser A		Pro 980	Ser	Cys	Pro	Ser	Ser 985	•	Pro	Ser	Pro	Gly 990	•	Glu
Pro	Glu. G	Sly 995	Glu	Gly	Glu	Thr	Asp		o Gl	u Ly	s Va	l Hi 10		eu T	hr Tr
Thr	Lys 1010	Asp	Lys	s Se:	r Va	l Al 10		Slu I	ys A	sn L		ly 020	Pro	Ser	Pro
Val	Ser 1025	Ser	Glu	ı Gl	y Il	_	s <i>P</i> 30	Asp F	he F	he S		let 035	Lys	Pro	Glu
Trp	Glu 1040	Asn	Lev	ı As:	n Gl		r <i>F</i> 45	Asn V	Val A	\rg A		let 050	His	Thr	Ala
Val	Arg 1055	Leu	Asr	n Gl	u Va	l Il 10		/al I	ys I	ys S		rg .065	Asp	Ala	Lys
Leu	Val 1070	Leu	ı Leı	ı As	n Me		o (75		Pro E	Pro P		sn .080	Arg	Asn	Gly
Asp	Glu 1085		туз	r Me	t Gl	*	le I	Leu (Glu V	/al I		hr .095		His	Leu
Asp	Arg 1100		L Me1	t Le	u Va		g (.05	Gly (Gly (Gly <i>P</i>		Slu 1110		Ile	Thr

1115 <210> <211> 3656 <212> DNA <213> Mus musculus <220> <221> CDS <222> (86)..(3433) <400> 3 gagcaagcga gcgagcggag aaggcgggca gaggggcgcg ggcgaagcgg cgcagccatc 60 ccgagcccgg cgccgcgcag ccacc atg ctc aac aac ctg acg gac tgc gag 112 Met Leu Asn Asn Leu Thr Asp Cys Glu gac ggc gat ggg gga gcc aac ccc ggt gat ggc aac ccc aaa gag agc Asp Gly Asp Gly Gly Ala Asn Pro Gly Asp Gly Asn Pro Lys Glu Ser 15 10 agt ccc ttc atc aac agc acg gac acg gag aag ggc aga gag tac gat. 208 Ser Pro Phe Ile Asn Ser Thr Asp Thr Glu Lys Gly Arg Glu Tyr Asp 30 35 ggc agg aac atg gcc ctg ttt gag gag gag atg gac acc agc ccc atg 256 Gly Arg Asn Met Ala Leu Phe Glu Glu Glu Met Asp Thr Ser Pro Met 50 gra ree ree erg ere agr ggg erg gee aae tae ace aae eta eee eag Val Ser Ser Leu Leu Ser Gly Leu Ala Asn Tyr Thr Asn Leu Pro Gln gga agt aga gag cat gaa gaa gca gaa aat aat gag ggt gga aaa aag 352 Gly Ser Arg Glu His Glu Glu Ala Glu Asn Asn Glu Gly Gly Lys Lys aag ccg gtg cag gct cct cga atg ggc acc ttc atg ggt gtg tac ctg 400 Lys Pro Val Gln Ala Pro Arg Met Gly Thr Phe Met Gly Val Tyr Leu 90 105 ccg tgc ctg cag aac atc ttt ggt gtc atc ctc ttc ctg cgg ctc acg 448 Pro Cys Leu Gln Asn Ile Phe Gly Val Ile Leu Phe Leu Arg Leu Thr 110 120. tgg gtg gtg ggc atc gcg ggc atc atg gag tcc ttc tgt atg gtc ttc 496 Trp Val Val Gly Ile Ala Gly Ile Met Glu Ser Phe Cys Met Val Phe 125 130 135 att tgc tgc tcc tgt acg atg ctc aca gcc att tcc atg agt gca atc 544 Ile Cys Cys Ser Cys Thr Met Leu Thr Ala Ile Ser Met Ser Ala Ile 140 145

Ile Tyr Ser

		•	•								•	· · ·	:	•						
			· .	٠.				:				. ·	· · · .			· .				·. ·
					Val		Ala							att Ile		: :	592	. :		··.
											Gly			Phe	tac Tyr 185	•	640			
ctg. Leu	ggc Gly	acc Thr	acc Thr	ttt Phe 190	Ala	ggg Gly	gct Ala	atg Met	tac Tyr 195	Ile	Leu	ggc Gly	Thr	Ile	gag Glu		688	· -		
														gca Ala			736			
													Arg	gtg Val			784			· .
												Phe		ggt Gly	gtc Val		832			
										- •			_	atc Ile	_	•	880		-	
														gac Asp 280	Pro.		928			· ·
ccc Pro	aat Asn	ttc Phe	ccg Pro 285	atc Ile	tgc Cys	ctc Leu	ctg Leu	ggg Gly 290	Asn	cgc Arg	acg Thr	ctg Leu	tct Ser 295	cgc Arg	cat His		976			
								Ala						aca Thr	gtg Val	•	1024	··.		
					Gly		Phe							aat Asn	gcc Ala		1072		· , ·	
														cag Gln			1120			
														agt Ser 360	tct Ser		1168		· .	-
tac Tyr	ctg Leu	acc Thr	aaa Lys 365	ggg Gly	gtg Val	att	gtc Val	gag Glu 370	Arg	cgt Arg	ggg	atg Met	ccc Pro 375		gtg Val		1216			
·						٠.				. •		,	`			. •				
										86	,								•	

Gly	ctg Leu	gca Ala 380	gac Asp	ggt Gly	acc Thr	ccc Pro	gta Val 385	gac Asp	atg Met	gac Asp	cac	ccc Pro 390	Tyr	gtc Val	ttc Phe		1264		
agt Ser	gat Asp 395	atg Met	acc Thr	tcc Ser	tac Tyr	ttc Phe 400	acc Thr	ctg Leu	ctc Leu	gtt Val	ggt Gly 405	atc Ile	tac Tyr	ttc Phe	ccc Pro	· .	1312		
tca Ser 410	gtc Val	aca Thr	ggg Gly	Ile	atg Met 415	gct Ala	ggc Gly	tca Ser	aac Asn	cga Arg 420	tct Ser	gga Gly	gac Asp	Leu	cgg Arg 425		1360	<i>∴</i>	
Asp	gcc Ala	Gln	Lys	Ser 430	Ile	Pro	Thr	G1y	Thr 435	Ile	Leu	Ala	Ile	Ala 440	Thr		1408		
Thr	tct Ser	Ala	Val 445	Tyr	Ile	Ser	Ser	Val 450	Val	Leu	Phe	Gly	Ala 455	Cys	Ile		1456		
Glu	Gly	Val 460	Val	Leu	Arg	Asp	Lys 465	Phe	Gly	Glu	Ala	Val 470	Asn	Gly	Asn		1504		
Leu	Val 475	Val	Gly	Thr	Leu	Ala 480	Trp.	Pro	Ser	Pro	Trp 485	Val	Ile	Val	Ile		1552		•
Gly 490		Phe	Phe	Ser	Thr 495	Cys	Gly.	Ala	Gly	Leu 500	Gln	Ser	Leu	Thr	Gly 505		1600	· .	
Ala	cca Pro	Arg	Leu	Leu 510	Gln	Ala	Ile	Ser	Arg 515	Asp	Gly	Ile	Val	Pro 520	Phe	•	1648		
Leu	Gln	Val	Phe 525	Gly	His	Gly	Lys	Ala 530	Asn	Gly	Glu	Pro	Thr 535	Trp	Ala		1696		
Leu	Leu	Leu 540	Thr	Ala	Cys	Ile	Cys 545	Glu	Ile	Gly	Ile	Leu 550	Ile	Ala			1744		•
Leu	gat Asp 555	Glu	Val	Ala	Pro	Ile 560	Leu	Ser	Met	Phe	Phe 565	Leu	Met	Cys	Tyr		1792		
Met 570		Val	Asn	Leu	Ala 575	Cys	Ala	Val	Gln	Thr 580	Leu	Leu	Arg	Thr	Pro 585		1840		
Asn		Arg	Pro	Arg 590	Phe	Arg	Tyr	Tyr	His 595	Trp	Thr	Leu	Ser	Phe 600	Leu		1888		
ggc	atg	agc	ctc	tgc	ctg	gcc	ctc	atg	ttc	att	tgc	tcc	tgg	tac.	tac		1936		
						· ;		•	:	87	-		•.					·.	

· · · · · · · · ·			· .							· · · .		· .			
·						· · ·	•			· · · · ·			*		
	1984	2032	2080	2128	2176	2224	2272	2320	2368	2416	2464	2512	2560	2608	
		· ·													
				-	_			-		_	_	•	Ser		
		_	Pro	-	•				Ser	-	•	-	Gly		•
615		•				•			Gln				Glu		•
	Lys			•	_		-				•	•	-		. •
• • •	Tyr	Ile	Glu	•											
			Lęu							-			_		:
					_		-						- • -		
610	_				_			_			Gln				
							_				His				
	Ile										Asp	-	Gly:		
•						_	_				Glu		Pro		
		•													
605											Gln				
					_						Arg				
	eu				_		_						Val		
					-										
		605 610 615 gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu	gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu 620 625 630 ggg gcg gag aag gag tgg ggg gat gga atc cga ggc ctg tct 2032 Gly Ala Glu Lys Glu Trp Gly Asp Gly Ile Arg Gly Leu Ser	gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu 620 625 630 ggg gcg gag aag gag tgg ggg gat gga atc cga ggc ctg tct 2032 Gly Ala Glu Lys Glu Trp Gly Asp Gly Ile Arg Gly Leu Ser 640 645 gca gca cgc tat gct ctc ttg cgc ctg gag gaa gga cct ccg 2080 Ala Ala Arg Tyr Ala Leu Leu Arg Leu Glu Glu Gly Pro Pro	gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu 620 ggg gcg gag aag gag tgg ggg gat gga atc cga ggc ctg tct Gly Ala Glu Lys Glu Trp Gly Asp Gly Ile Arg Gly Leu Ser 645 gca gca cgc tat gct ctc ttg cgc ctg gag gaa gga cct ccg Ala Ala Arg Tyr Ala Leu Leu Arg Leu Glu Glu Gly Pro 665 aag aac tgg agg ccc cag ctg ctg gtg ctg gtg gac Lys Asn Trp Arg Pro Gln Leu Leu Val Leu Val Arg Val Asp	gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu ggg gcg gag aag ggg gat gga atc cga ggc ctg ctg ggg gat gga atc cga ggg ctg ctg ctg ggg gat gga atc cag ctg ctg ggg gat gga gat cct ccg cag ctg ctg ggg gat gga cct ccg cag cct ccg ccg ctg ggg gat gga cct ccg ccg ccg ccg ccg ccg ccg ccg ccg	gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu 620 ggg gcg gag aag gag tgg ggg gat gga atc cga ggc ctg tct 645 Glu Trp Gly Asp Gly Ile Arg Gly Leu Ser 645 gca gca cgc tat gct ctc ttg cgc ctg gag gaa gga cct ccg 2080 Ala Ala Arg Tyr Ala Leu Leu Arg Leu Glu Gly Gly Pro 665 aag aac tgg agg ccc cag ctg ctg gtg cgt gtg gac 2128 Lys Asn Trp Arg Pro Gln Leu Leu Val Leu Val Arg Val Asp 675 cag aac gtg gtg cat ccg cag ctg ctc tcc ctg acc ctc cag 2176 Gln Asn Val Val His Pro Gln Leu Leu Ser Leu Gly Ser Leu Thr Ser Gln 695 gca ggg aag ggc ctg acc att gtg ggc tcc gtc ctt gag ggc 2224 Ala Gly Lys Gly Leu Thr Ile Val Gly Ser Val Leu Glu Gly	605 610 615 gtg gcc atg ctc atg ctc atg ctc atg ggg ctc atg ttat atg aag tac atc gag ggg ggg gad ggg ctg stg file atg file a	gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu 11e 71e Ala Gly	gtg gcc atg ctc att gcg gga ctc att tat gcc aga ctc att tat aag, tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu IIe Ala Gly Leu IIe Gly Ala Gly Leu IIe Tyr Gly Ala Glu Lys Glu Trp Gly Asp Gly IIe Arg Gly Leu Ser 640 2032 ggg gcg gag aag gag ggg ggg gat gga atc cgg ctg tct ala Ala Ala Arg Tyr Ala Leu Leu Arg Leu Glu Glu Gly Pro Pro 655 2032 gca gca cgc tat gct ctc ttg cgc ctg gag gaa gga cct gtg gag aac agga cct gtg tg gag acc acg ctg ctg ctg gtg gag gaa gga cct gtg gtg cgc gag gag gaa gga cct gtg gtg gac ly Ala Ala Arg Tyr Ala Leu Leu Arg Leu Glu Glu Gly Pro Pro 665 2080 aag aac tgg agg ccc cag ctg ctg ctg gtg ctg gtg gag gaa gga cct gtg gtg gac ly Ala Arg Val Asp 670 2128 Lys Asn Trp Arg Pro Gln Leu Leu Val Leu Val Arg Val Asp 675 2128 cag aac gtg gtg cat ccg cag ctg ctc tcc ctg acc tcc cag Gln Asn Val Val His Pro Gln Leu Leu Ser Leu Thr Ser Gln 695 2176 gca ggg aag gag agg ctg act ccg acc att gtg ggc tcc gtc ctt gag ggc ala Gly Leu Thr 11e Val Gly Ser Val Leu Glu Gly 710 2224 ctg gac acc cat cca cac cac cac cac gct cac cac gcg gca gag gag tct atc leu Asp Ash His Pro Gln Ala Gln Arg Ala Glu Glu Ser Ile 725 2272 ctg atg gag gct gag aag gtg gag acc gg gca gag gag tct acc gca gag gag gct gag gct gag gag g	gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu 620 ggg gcg gag aag gag tgg ggg gat gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Gly Ala Glu Lys Glu Trp Gly Asp Gly Ile Arg Gly Leu Ser 640 gca gca cgc tat gct ctc ttg cgc ctg gag gaa gga cct ccg Ala Ala Arg Tyr Ala Leu Leu Arg Leu Glu Glu Gly Pro 655 aag aac tgg agg ccc cag ctg ctg tg Lys Asn Trp Arg Pro Gln Leu Leu Val Leu Val Arg Val Asp 670 cag aac tgg gtg cat ccg cag ctg ctc tcc ctg acc tcc cag Gln Asn Val Val His Pro Gln Leu Leu Ser Leu Thr Ser Gln 685 gca ggg aag ggc ctg acc att gtg ggc tcc gtc ctt gag ggc Ala Gly Lys Gly Leu Thr Ile Val Gly Ser Val Leu Glu Gly 700 ctg gac aac cat cca cag gct cag cgg gaa gag gag tct atc Leu Asp Ash His Pro Gln Ala Glu Arg Ala Glu Glu Ser Ile 720 ctg gac acc ctg cgt gat gag ggg ggg ggg ggg ggg ggg ggg g	gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag ggg gcg gag aag gag tgg ggg gat gga atc cag ggc ctg tct gly Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu 625 ggg gcg gag aag gag tgg ggg gat gga atc cag ggc ctg tct gly Ala Glu Lys Glu Trp Gly Asp Gly Ile Arg Gly Leu Ser 640 gca gca cgc tat gct ctc ttg cgc ctg gag gaa gga cct ccg Ala Ala Arg Tyr Ala Leu Leu Arg Leu Glu Glu Gly Pro Pro 655 aag aac tgg agg ccc cag ctg ctg gtg cgt gtg gac Lys Asn Trp Arg Pro Gln Leu Leu Val Leu Val Arg Val Asp 670 cag aac gtg gtg cat ccg cag ctg ctc ctc ctc ctg acc tcc cag Gln Asn Val Val Ris Pro Gln Leu Leu Ser Leu Thr Ser Gln 685 685 cag gaa ag ggc ctg acc att gtg ggc tcc gtc ctt gag ggc Ala Gly Lys Gly Leu Thr Ile Val Gly Ser Val Leu Glu Gly 700 ctg gac aac cat cca cag gct cag cgg gca gag gag tct atc Leu Asp Asn His Pro Gln Ala Gln Arg Ala Glu Glu Ser Ile 720 ctg gac aac cat cca cag gtg sag ggc tct ctc cc cag gtg gtg ctg atc gag gag gct gaa cag ggc tca gcc cag ctg ctg cag ctg atg gag gct gag aag gtg sag ggc ttc tcg cag gtg ctg atg gag gct gag aag gtg sag ggc ttc tcg cag gag ctg atg gag gct gac acc atc gcc cag ctg ctc ctc ccc cag ctg gac aac cat cca cag gct cag ccg cag gag gag tct atc Leu Asp Asn His Pro Gln Ala Gln Arg Ala Glu Glu Ser Ile 720 ctg gac aac cat cca cag gtg sag ggc ttc tcg cag gta gtg ctc acc ctg atg gag gct gag aag gct tct tcg cag gta ctc acc ctg gt gat ggt gtg tcc cac ctg atc cag ctg ctg atg gag gct gad ggt gtg tcc cac ctg atc cag ctg ctg atg gag gct gad ggt gtg tcc cac ctg atc cag ctg ctg atg gag gtt gaa gag gtg tcg cc cac ctg atc cag ctg ctg atg gag gtt gaa cac ata cca gtg ctg gt ctg ccc gg gga gga ttg caa cac at acc gtg ctg gtg gc ctc cgc cly Gly Leu Gln Ris Asn Thr Val Leu Val Gly Trp Fro Arg 765 agg cag aag gag gat cat cac cac ata acc gtg ctg gag aac ttc atc cag ctg Gly Gly Leu Gln Asp His Gln Thr Trp Arg Asn Phe Ile Glu	gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag 1984 Val Ala Met Leu 11e Ala Gly Leu 11e Tyr Lys Tyr 11e Glu 620 625 630 1984 Wal Ala Met Leu 11e Ala Gly Leu 11e Tyr Lys Tyr 11e Glu 620 625 630 1989 ggg gag gag gag gag gag gag gag gag ga	1984 1984	gtg gcc atg ctc att gcc gga ctc att tat aag tac atc gag Val Ala Met Leu Ile Ala Gly Leu Ile Tyr Lys Tyr Ile Glu 620 625 630 7

								•			•			•	•	•	
ccc Pro	ttc Phe	ctg Leu	ctg Leu 845	cga Arg	cac His	cac His	aag Lys	gtc Val 850	tgg Trp	agg Arg	aaa Lys	tgc Cys	aaa Lys 855	Met	cgg Arg		2656
atc Ile	ttc Phe	acc Thr 860	gtg Val	gcc Ala	cag Gln	Met	gac Asp 865	gat Asp	aac Asn	agt Ser	atc Ile	cag Gln 870	atg Met	aag Lys	aag Lys	· · · · ·	2704
gac Asp	ctg Leu 875	acc Thr	acg Thr	ttt Phe	Leu	tac Tyr 880	cac His	tta Leu	cgc Arg	:Ile	act Thr 885	Ala	gag Glu	gtg Val	gag Glu		2752
gtg Val 890	gtg Val	gag Glu	atg Met	cat His	gag Glu 895	agc Ser	gac Asp	atc Ile	tcg Ser	gca Ala 900	tac Tyr	acc Thr	tac Tyr	gag Glu	aag Lys 905		2800
aca Thr	tta Leu	gta Val	atg Met	gag Glu 910	caa Gln	cga Arg	tct Ser	cag Gln	atc Ile 915	ctc Leu	aaa Lys	cag Gln	atg Met	cac His 920	Leu		2848
				cgg Arg											tct Ser		2896
cgg Arg	ggc Gly	tcc Ser 940	att Ile	cgg Arg	agg Arg	aag Lys	aat Asn 945	Pro	gcc Ala	aac Asn	ccc Pro	egg Arg 950	ctc Leu	cgc Arg	ctc	. · ·	2944
aat Asn	gtt Val 955	ccc Pro	gaa Glu	gag Glu	aca Thr	gcg Ala 960	tgt Cys	gac Asp	aat Asn	gag Glu	gag Glu 965	aag Lys	cca Pro	gag Glu	gag Glu	•	2992
gag Glu 970	gtg Val	cag Gln	ctg Leu	Ile	cat His 975	gac Asp	cag Gln	agt Ser	gct Ala	ccc Pro 980	agc Ser	tgc Cys	cct Pro	agc Ser	agc Ser 985	· · ·	3040
tcg Ser	cca Pro	tct Ser	cca Pro	990 ggg	gag Glu	gag Glu	ccc Pro	gag Glu	ggg Gly 995	Glu	agg Arg	gag Glu	aca Thr	gac Asp 1000	Pro		3088
gag Glu	gtg Val	cat His	ctt Leu 1005	acc Thr	tgg Trp	aco Thr	aac Lys	gat Asp 101	L	ag to 7s Se	ca gt er Va	al Al	ca ga La Gl	Lu 1	aag Lys		3133
aat Asn	aaa Lys	ggc Gly	ccc Pro 1020	Ser	Pro	gto Val	s tcc Ser	Ser 102	G]	ag gg Lu Gl	gc at Ly Il	c aa e Ly	s As	ac 1 sp 1 030	ttc Phe	,	3178
				ccg Pro					Le				er As				3223
cgg Arg	cgc Arg	atg Met	cac His 1050	aca Thr	gct Ala	gtç Val	g cgg Arg	ctg Leu 105	ı - As	ic ga sn Gl	ig gt Lu Va	c at	e Va	ig a al <i>1</i> 060	aat Asn		3268

aaa tot ogg gat god aag ota gtt ttg otd aac atg ocd ggg oct Lys Ser Arg Asp Ala Lys Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro 1065 1070 1075
ccc cgc aac cgc aat ggg gat gaa aac tac atg gaa ttc ttg gag Pro Arg Asn Arg Asn Gly Asp Glu Asn Tyr Met Glu Phe Leu Glu 1080 1085 1090
gtc ctc act gag caa ctg gac cgg gtg atg ctg gtc cgc ggt ggc Val Leu Thr Glu Gln Leu Asp Arg Val Met Leu Val Arg Gly Gly 1095 1100 1105
ggc cga gag gtc atc acc atc tac tcc tga aggccaggac ctgccactcc Gly Arg Glu Val Ile Thr Ile Tyr Ser 1110 1115
ggcccgagcg cgcccggccc gcggccccca gagccctcgc cgcgcctccc cgccgctgtc
accetttaca taagacccag ttgcccatgc cctggcccct ttccttcccg ctgcctgcag
ccctgaggcc ttgcccgtcg gggctgaccc gcagggcggc ccgtgaggcc ccttttctga
gcctggcctc gcccgccgg agc
<210> 4 <211> 1115 <212> PRT <213> Mus musculus
<400> 4
Met Leu Asn Asn Leu Thr Asp Cys Glu Asp Gly Asp Gly Gly Ala Asn 1 5 10 15
Pro Gly Asp Gly Asn Pro Lys Glu Ser Ser Pro Phe Ile Asn Ser Thr 20 25 30
Asp Thr Glu Lys Gly Arg Glu Tyr Asp Gly Arg Asn Met Ala Leu Phe 35 40 45
Glu Glu Met Asp Thr Ser Pro Met Val Ser Ser Leu Leu Ser Gly 50 55 60
Leu Ala Asn Tyr Thr Asn Leu Pro Gln Gly Ser Arg Glu His Glu Glu 65 70 75 80

				•	•					· .	.•	•							•	
						·.	•	· · ·		.•			•	*		·		•		
									:	•				•••		•				
Met	Gly	Thr		Met	Gly	Val	Tyr		_	Cys	Leu	Gln		Ile	Phe	<i>∴</i>	٠.			
			100		-		٠.	105	· ·				110							
			•			٠	•					•	•			• .				
Gly	Val	Ile 115	Leu	Phe.	Leu	Arg	Leu 120		Trp	Va [·] l	Val	Gly 125.	_	Ala	Gly		•			
				•	-			• •		:	. •		:					•	<u>x</u>	
Tle	Met	Glu	Ser	Phe	Cvs	Met	Val	Phe	Tle	Cvs	Cus	Ser	Cvs	ጥ ክ ድ	Met	•				
	130	014				135	•		# # C	Cys	140	•			1100	÷				
		•			· ·	•		•												
Leu	Thr	Ala	Ile	Ser	Met	Ser	Ala	Ile	Ala	Ťhr	Asn	Gly	'Val	Val.	Pro	· ·				
145					150		•	.: .:		155		. •	•	· ·	160					
•						•						· · .				···.				· ·
Ala	Gly	Gly	Ser	_	. –	Met	Ile		_	••	Leu	Gly	_		Phe				•	
				165			•		170		· · · · ·			175			•			
C1	Cl.	አነ -	Wal	C1	T 011		Dho	M	T	.01	mb	mb	Dh à	7. T _			٠.	-		
СТУ	дту	VIG	180		neu	Cys	riie	185		GTÅ	IIII.	1114	190	Wird	· GTĀ				•	
	•		•			•	•													
Ala	Met	Tyr	Ile	Leu	Gly	Ťhr	Ile	Glu	Ile	Leu	Leu	Ala	Tyr	Leu	Phe	•			•	
	•	195		•	-		200	•	•	٠.٠		205	_	•	•				•••	
			•		•								•	•	. '		•	• ,		
Pro		Met	Ala	Ile	-	Lys	Ala	Glu	Asp	Ala		Gly	Glu	Ala	Ala					
	210					215		••	· .		220			•	•		• .			
70.1 -	Mot	Tou	7	7.00	Mot	71 ~~ ~~			C1	Mb	C	· 17-17	T	Մ և						
225	riec	neu.		ASII	23.0	Arg	var	ıyı	Эт.	235		· var	тей	Till	240		•			
•							. ,		· .	. •		٠		•			•			
Met	Ala	Thr	Val	Val	Phe	Val	Gly	Val	Lys	Tyr	Val	Asn	Lys	Phe	Ala	. :				
				245	•			•	250			÷	· · ·	255				•		
	•			•	• .		<i>,•</i>						•	•	:					
Leu	Val	Phe	Leu 260	_	Cys	Val	Ile	Leu 265	•	Ile	Leu	Ala	Ile 270	Tyr	Ala		•			
			200						•	•	•		2.0	· · ·	•		•			
Glv	Val	Tle	Lvs	Ser	Ala	Phe	Asp	Pro	Pro	Asn	Phe	Pro	Tle	Cvs	Len	· .'				
~ ~		275	-10				280		-,-0			285		~ ₁ 0				•		
		·					•						• • •	. •	•	· .			•	٠
Leu		Asn	Arg	Thr	Leu	Ser	Arg	His	Gly	Phe			Cys	Ala	Lys	÷.		•		
	290				•	295			·. ·		300	•	• •		- ·					
								•		•	• •		•							
Leu 305	Ala	Trp	Glu	Gly	.Asn 310	Glu	Thr	Val	Thr	Thr 315	. –	Leu	Trp	Gly	Leu 320					
						•	, ,	1	•	· · · · ·					. <i>- 2</i> . 0	••				
Ph≏	Cve	Ser	Ser	Ara	T.em	Leu	Aen	Д1э	Thr.	Cve	Aen	Glu	· Ψτέν	Pho	ጥኮ <i>፦</i>			•		
	- J 0	~~ <u>.</u>	~~*	· 9	_cu			** T Q	4 1 1 4	∪ y o	u.t	Jiu	- <i>y</i> -	2110		•				
		٠		• .		• . •	-						•			•	•			
									· · ·	~ 4	•		•			•				

			•				•		•			•	•			
Arg	Asn	Asn	Val 340	Thr	Glu	Ile	Gln	Gly 345	Ile	Pro	Gly	Ala	Ala 350	Ser	Gly	
					•				-	•		•	• • •	•		
Leu	Ile	Lys 355	Glu	Asn	Leu		Ser 360	Ser	Tyr	Leu	Thr	Lys 365	•	Val	Ile	•
Val	Glu 370	Arg	Arg	Gly	Met	Pro 375	Ser	Val	Gly	Leu	Ala 380	Asp	Gly	Thr	Pro	•
Val 385		Met	Asp	His _:	Pro 390	Ţyr	Val	Phe	Ser	Asp 395	Met	Thr	Ser	Tyr	Phe 400	
Thr	Leu	Leu	Val	Gly 405	Ile	Tyr	Phe	Pro	Ser 410	Val	Thr	Gly	Ile	Met 415	Ala	•
		:			•		•		•	.•	:		•			
Gly	Ser	Asn	Arg 420	Ser	Gly	Asp	Leu	Arg 425	Asp	Ala	Gln	Lys	Ser 430	Ile	Pro	
Thr	Gly	Thr 435	Ile	Leu	Ala		Ala 440	Thr	Thr	Ser	Ala	Val 445		Ile	Ser	-
Ser	Val 450	Val	Leu	Phe		Ala 455	- -	Ile	Glu	Gly	Val 460	Val	Leu	Arg	Asp	•
Lys 465		Gly	Glu	Ala	Val 470	Asn	Gly	Asn	Leu	Val 475	Val	Gly	Thr	Leu	Ala 480	
Trp	Pro	Ser	Pro	Trp 485	Val	Ile	Val		Gly 490		Phe	Phe	Ser	Thr 495	Cys	•
Gly	Ala	Gly	Leu 500	Gln	Ser	Leu	Thr	Gly 505		Pro	Arg	Leu	Leu 510	Gln	Ala	
Ile	Ser	Arg 515	Asp	Gly	Ile	Val	Pro 520	Phe	Leu	Gln		Phe 525	Gly	His	Gly	•
Lys	Ala 530	Asn	Gly	Glu	Pro	Thr 535	. –	Ala	Leu	Leu	Leu 540	Thr	Ala	Cys	Ile	
Cys 545		Ile	Gly	Ile	Leu 550	Ile	Ala	Ser	Leu	Asp 555	Glu	Val	Ala		Ile 560	

									:			· · ·	. ·	•					
				•				:					. • •	· · ·	•			•	
													•		.·	. •			
Leu Ser I	Met Phe	Phe 565		Met	Cys	_	Met 570	Phe	Val	Asn	Leu	Ala 575	Cys	· · · .					
		303 .	4		. •		370	•	·.		•		•						
Ala Val	Gln Thr 580		Leu :	Arg	Thr	Pro. 585		Trp	Arg	Pro	Arg 590	Phe	Arg	·					
,		<u></u>		:	·		•		·•	•			· :		• •	•	•		
Tyr Tyr I	His Trp 595	Thr	Leu 	Ser	Phe 600		Gly	Met	Ser	Leu 605	Cys	Leu	Ala	. ;					
Leu Met	Phe Ile	Cvs	Ser	Trp	Tvr	Tvr	Ala	Leu	Val	Ala	Met	Lėn	İle				÷		
610		.		615					620										
Ala Gly	Leu Ile	Tyr		Tyr	Ile	Glu	Ťyr		Gly	Ala	Glu	Lys	_		•				
625			630		·X·			635	•		·		640		·		٠		
Trp Gly	Asp Gly	Ile 645	Arg	Gly	Leu	Ser	Leu 650	Ser	Ala	Ala	Arg	Tyr 655	Ala						
_		9	-1									· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	٠						
Leu Leu ,	Arg Leu 660	Glu	Glu	GTA	Pro	Pro 665	His	Thr	Lys	Asn	Trp 670	Arg	Pro						
Gln Leu	Leu Val	Leu	Val	Arg	Val	Asp	Gln	Asp	Gln	Asn	Val	Val	His	•				·	
	675	·			680	-		· · ·		685	-				•				
Pro Gln 690	Leu Leu	Ser	Leu	Thr 695	Ser	Gln	Leu	Lys	· — — —	Gly	Lys	Gly	Leu	.•		٠			
050		• •		0 5.5			• . •	•	700	• • •		•		: . : ·	•		• • •	• • • •	
Thr Ile 705	Val Gly	Ser	Val 710	Leu	Glu	Gly	Thr	Phe 715	Leu	Asp	Asn	His	Pro 720		··				
Cla Nia	Cla Asa	71.	Clu	C1	Com	т1	2	7	T	Mal	C1			· ·					
Gln Ala	GIN AIG	725	GIU.	Giu	2.61	ire	730	Arg	теп	Met	GIU	735	GIU	٠					
Lys Val	Lys Gly	Phe	Cys	Gln	Val	 Val	Ile	Ser	Ser	Asn	Leu	Arg	Ásp	•	·				
	740					745	٠			·	750								
Gly Val	Ser His 755	Leu	Ile	Gln	Ser 760	Gly	Gly	Leu	Gly	Gly 7.65	Leu	Gļn	His	·. ·····.				·	
	· · ·						•					· · · · · ·	· .	•	•				
Asn Thr 770	Val Leu	Val		Trp 775	Pro	Arg	Asn		Arg 780			Glu	Asp	•					

							•		•	•					•	•
His 785	Gln	Thr	Trp	Arg	Asn 790	Phe	Ile	Glu	Ļeu	Val 795	Arġ	Glu	Thr	Thr	Ala 800	
, , ,	٠		٠.			. •		•	•		•	•	· : · .	٠.		•
Gly	His	Leu	Ala	Leu 805	Leu	Val	Thr	Lys	Asn 810	Val	Ser	Met	Phe	Pro 815	Gly	٠.
٠			•	• :		•	•••	•			• • •					-
Asn	Pro	Glu	Arg 820	Phe	Ser	Glu	Gly	Ser 825		Asp.	Val		Trp 830	Ile	Val	
				•		. <u> </u>					· · · ·	· ·	. •		•	·. .·
His	Asp	Gly 835	Gly	Met	Leu		Leu 840	Leu	Pro	Phe	Leu	Leu 845	Arg	His	His	•
	_	_	_		_											
Lys	Val 850	Trp	Arg	Lys.	Cys	Lys 855	Met	Arg	Ile	Phe	Thr 860	Val	Ala	Gln	Met	
							•									
Asp 865	Asp	Asn	Ser	Ile	Gln 870	•	Lys	.Lys	Asp	Leu 875	Thr	Thr	Phe	Leu	Tyr 880	:
		•					•					•			·	
His	Leu	Arg	Ile	Thr 885	Ala	Glu	Val	Glu	Val 890	Val	Glu	Met	His	Glu 895	Ser	
									· ·	:	,	٠.				•
Asp	Ile	Ser	Ala 900	_	Thr	Tyr	Glu	Lys 905	Thr	Leu	Val	Met	Glu 910		Arg	
	•			٠.	·		·		•				· · · · ·		٠	.•
Ser	Gln	Ile 915		Lys	Gln	Met	His 920	•	Thr	Lys	Asn	.Glu 925	_	Glu	Arg	
				·	<i>:</i>		•	·		· · ·		· · · · · ·	· 	•	•	· .
Glu	11e 930		Ser	Ile	Thr	Asp 935		Ser	Arg	Gly	Ser 940		Arg	Arg	Lys	· .•
					٠				•		÷.		•		·. ·	
Asn 945		Ala	Asn	Pro	Arg 950	•	Arg	Leu	Asn	Val 955		Glu	Glu		Ala 960	
	70	7	01	. .	T	Dono		(2)		****		T	TI.	*11 ± ~	. 7 ~~	
Cys	Asp	. Asn	GIU	965		Pro	GLU	. Giu	970		GIN	Leu	ıre	975	Asp	•
Q1	C	א ן -	D== =		· C	D		· · ·	C ~ ~	D⊶≏	° ~ ~	D~^	<u> </u>		<i>ር</i> ግ ነ ፡	-
GIN	ser	ΑТЗ	980		cys	· PFO	ser	985		PIO	ser	PLO	990	•	Glu	
	·	-		.'		·				·			٠.	• •	· ,	
Pro	Glu	995		a Arg	Glu	Thr	100	•	o Gl	u Va	l Hi		u T 05	hr T	rp T	hr.

		•					•	·		.•					•					
								:				• . •	•		•					•
Lys	Asp	Lvs	Ser	Val	Ala	Glu	Lvs	Asn	Lvs	Glv	·Pro	Ser	Pro	Val		•				
-	1010					1015	2 ·			•	1020	•	-,	-	٠.	:	•	•		
									• •	•	•		•	. •				٠.		
Ser	Ser	Glu	Glv	Tle	Lvs	-Asp	Phe	Phe	Ser	Met	Lvs	Pro	Glu	ሞፖኮ.		٠.				
	102		. 0-7		-10	1030				• •	1035	•	OLU	TTP.	•		·			
								<i>:</i>	•			•		•						
Glu	Asn	Ī.e.r	ı Asn	Gln	Ser	Asn	Val	Ara	Ara	Mat	Hie	ሞኮ ፦	. 11 a	Val						
CIG	1040					1045								, vai					•	
								•		٠	··.						· ·			
Ara	Leu	Asr	Glu	Val	Tle	Val	Asn	Tays	Ser	Ara				Len	• •					
5	105					1060			_	•	1065		-							
		•	÷	٠.	•				•						.•	•				
Val	Leu	Ĭ,ei	. Asn	Met	Pro	Gly	Pro	Pro	Ara	Asn	Ara	Aen	G1 11	Acn						
. 	107		4 4			1075					1080	4 1011	· · ·	izah						
•		••		•	•	· .		•				.•	· ·			• •	•			
Glu	Asn	Tvr	: Met	Glu	Phe	Leu	Glu	Val	Leu	Thr	Glu	G].n	Leu	Asp						
	108			-		1090		-		•	1095						-			
					٠												•			•
Arg	Val	Met	Leu	Val	Arg	Gly	Gly	Gly	Ara	Glu	Val	Ile	Thr	Ile		•	•			
•	110		•		-	1105			· · ·	•	1110	•	•							
						•			•	•		•		· :	٠.					
Tyr	Ser			<i>:</i> ·					••	• .	•		• •				•			
	111			٠.	·		•		•	· .··	• •		· .		· .	•		.∻ .	-	
										••		• • •		•			• •			,
<21	0>	5							•		•	•	•		•					
		5566	•	· .·	·	• • •	· .					•					•			
<21:		DNA Rattu	ıs no	rvea	icus			•		•	•									
	•			9	_					•		•		· .	÷					
<22	0>	٠	•			٠.	.·	•		٠		•	•	•						•
<22		CDS		٠		·				· .:					. •	•				
<22	2>	(116)	(3	466)	·			,	•			•	•	• .	•••••		•		•	
<4 N	0>	5 .							· .		. •			•			•			
			gagag	caag	c ga	cagag	ctc	gagca	aàgc	ga q	cgage	ggca	aaq	gega	gca		60			
			•				•		•		•	•								
gag	1ddc	gc g g	ggcga	agag	g cg	cagcc	atc (ccga	gccc	gg c	gccgc	gcag	cca		tg et		118			
								<i>:</i>	٠.					1				•		
~ + -			بايم	A	~ - ·	•		. -			•		_				7'00			
						tgc g Cys G										•	166			
	* *		5		- F.	- <u>,</u>	1	0		٠,٠	-y (4.4.	15			-	•			•	
مرمب∔	~ ~ -	,	~ - -	~~-	:					L _ ·-	_			_	• • •	•	011			
						gag a Glu S											214			
- - 1		20			- 1	. 2		+			30		- + + 4		. · .					
															•					
	•	•			•	•					٠.		•			•				
								٠			• •	· · ·	· ·						•	•
				•		•	•		9	5		-		•	•					
									Ų,		•	•	• . •	•				•		

				: :		•		٠.			•	٠.						•				
							•	· · ·		•.	•	•					•••	•				
} }				•	٠					•					. :		•					
																		262	· .			
	Thr	35	глѕ	GIÀ	Arg		Tyr 40	Asp					Ата		rne.	GIU.	• . •	•		•		
			_	-		•		•	•			•						310				
	Glu 50	Glu	Met	Asp	Thr	Ser 55		Met	Val	Ser	Ser 60	Leu	Leu	Ser	GTA	Leu 65						
	_				aac	_		_	• •					•	_			358				
	Aļa	Asn	Tyr	Thr	Asn 70	Leu	Pro	GIn	GIA	Ser 75	гуs	GIU	His	GIU	80	Ala			· ·		• .	
	-				ggc													406	· ·	· .		
	Glu	Asn	Asn	Glu 85	Gly	Gly	гуз	гуs	90 Lys	Pro	Val	GIn	Ala	95	Arg	Met	· · .					
		•		_	ggc										•		•	454				
	Gly	Thr	Phe 100	Met	Gly	Val	Tyr	105	Pro	Cys	Leu	GIn	110	ile	Phe	GIY						
	_				ctg								-					502		· ·		
	Val	11e 115	Leu	Phe	Leu	Arg	120	Thr	Trp	Val	Val	G1y 125	 TTe	Ala	GTA	TTE		· ·	٠.			
	_				tgc													. 550)			
	Met 130	Glu	Ser	Phe	Cys.	Met 135	Val.	Phe	lle	Cys	Cys 140	Ser	Cys	Thr	Met	145						
		_			atg			-						•		•		598	3			
	Thr	Ala	Ile	Ser	Met 150	Ser	Ala	He	Ala	Thr 155		GIY	val	val	160			•	-		•	
					tac													646	5			
	Gly	Gly	Ser	Tyr 165	Tyr	Met	1.Te	Ser	170	Ser	Leu	GIY	r Pro	175		GTĀ						
		_			ctc			•										694	4 ·			
	Gly	Ala	Val 180		Leu	Cys		Tyr 185	Leu	GLY	Thr	Thr	190	Ата	стл	Ała	-					
	_			_	ggc	•			•				_	•		-	•	742	2	`.	٠	
	Met	Tyr 195		Leu	Gly	Thr	11e 200		Ile	Leu	Leu	Ala 205		Leu	. Phe	Pro	· · · ·					
		_	_		ttc	_	_		-									79)	•		
	Ala 210		Ala	Ile	Phe	Lys 215		Glu	Asp	Ala	Ser 220		Glu	Ala	Ala	Ala 225	•					
	_				atg			•										.83	8			
	Met	Leu	Asn	Asn	Met 230	_	Val	Tyr	Gly	Thr 235		v Val	Lev	Thr	240			· .		•		
					: ttt													88	6			
					Phe			Val		Tyr					Ala			٠.		•	-	
	gtc	ttc	cto	, ggt	tgc	gtg	atc	ctc	·tcc	ato	ctg	j gad	c ato	tac	c gca	ggg		93	4			
	-		-							··· .	·. ·						·					
											96			•				· · ·			•	
			÷			•				•	•						· · · :					
			·			•	٠	•		•	٠	•	•	••				•				

				. ;	᠅.	•	•		•				• • •		•	•.			
				٠.					· · ·				. :	· · .					
Val	Phe	Leu 260	Gly	Cys.	Val	Ile	Leu 265	Ser	Ile	Leu	Ala	Ile 270	Tyr	Ala	Gly				· .
	Ile			gcc Ala	Phe	Asp	Pro				Pro		_		ctg Leu	· .	982		
					tċt		cat								ctg Leu		1030	·	
290 gct	tgg	gaa	gga	aat	295 : gag	 aca	gtg	acc	aca	300 cgg		tgg	ggc	cta	305 ·. ttc	· · · · ·	1078	· .	
										Arg		_			Phe			•	
															cga Arg		1126		
				,		•			•	•			Ser		ctc Leu		1174	·	·
Ile															gtg Val	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	1222		
				atg Met							Asp				gtt Val 385		1270		
										Met					acc Thr		1318		
															ggc		1366		
						Leu					•		Ile	-	act Thr	•	1414		
						•	Thr				_			-	tct Ser		1462	`.	
											Val	•			aag Lys 465		1510		
				Val		Gly	Asn		Val	Val			Leu	_	tgg Trp		1558		
				gtc	att	gtc	ata	ggc	tct	ttc	ttc	tct	acc	tgc	•	· ·	1606		
										97									
											• :.		٠				•		

•			•			•			•					_	_		•	
													atc Ile	· · ·	1654	* -		
					ccc Pro 520			•					aaa Lys		1702			
					tgg. Trp					_	_		_	· : · ·	1750		•	
					gcc Ala								ctt Leu		1798			
													gcg Ala		1846			
					acg Thr								tat Tyr		1894			
			_		ttc Phe 600		_	_		Cys	_	_	_	• • •	1942			
			•				•					•	gct Ala 625		1990	.÷. ·	· · .	
					atc Ile										2038			
					ctg Leu				-	_			ctc Leu		2086		· ·	
						His		-			• – –		cag Gln		2134			
					gtg Val 680	•	• •							·	2182			
					Ser								acc Thr 705	· .	2230			
				Leu	gag Glu			_	_				-	[.] .	2278	·		
	٠.	·	·					98	· . ·	,			•			·		
															· ·	·	·	

Arg	•	t
cac cac aag 2662 His His Lys	gcg cag atg gat 2710 Ala Gln Met Asp	

cca gcc aac act cgg ctc cgc ctc aat gtt ccc gaa gag aca gct tgt Pro Ala Asn Thr Arg Leu Arg Leu Asn Val Pro Glu Glu Thr Ala Cys 950 955 960	2998
gac aac gag gag aag cca gaa gag gag gtg cag ctg atc cat gac cag Asp Asn Glu Glu Lys Pro Glu Glu Glu Val Gln Leu Ile His Asp Gln 965 970 975	3046
agt gct ccc agc tgc cct agc agc tcg ccg tct cca ggg gag gag cct Ser Ala Pro Ser Cys Pro Ser Ser Ser Pro Ser Pro Gly Glu Glu Pro 980 985 990	3094
gag ggg gag gag aca gac cca gag aag gtg cat ctc acc tgg acc Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val His Leu Thr Trp Thr 995 1000 1005	3142
aag gat aag tca gcg gct cag aag aac aaa ggc ccc agt ccc gtc Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro Val 1010 1015 1020	3187
tcc tcg gag ggg atc aag gac ttc ttc agc atg aag ccg gag tgg Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu Trp 1025 1030 1035	3232
gaa aac ttg aac cag tcc aac gtg cgg cgc atg cac aca gct gtg Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met His Thr Ala Val 1040 1045 1050	3277
cgg ctg aac gag gtc atc gtg aat aaa tcc cgg gat gcc aag ttg Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys Leu 1055 1060 1065	3322
gtg ttg ctc aac atg ccc ggg cct ccc cgc aac cgc aat gga gat Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly Asp 1070 1075 1080	3367
gaa aac tac atg gaa ttc ctg gag gtc ctc act gag caa ctg gac Glu Asn Tyr Met Glu Phe Leu Glu Val Leu Thr Glu Gln Leu Asp 1090 1095	3412
cgg gtg atg ctg gtc cgc ggt ggt ggc cga gag gtc atc acc atc Arg Val Met Leu Val Arg Gly Gly Gly Arg Glu Val Ile Thr Ile 1100 1105 1110	3457
tac tcc tga aggccaggac ctgccactcc ggcccgagcg agcccggccc Tyr Ser 1115	3506
gcggccccgg agccctcgcc gcgcctcccc gccgctgtca ccgtttacat aagaccccgt	3566
tgcccgtgcc ctggccctct tccctcccgc tgcctgcggc ccggaggcct tgcccgtcgg	3626
ggctgacccg gagggcggcc cgtgggcccc ttttctgagc ccggcctcgc cctgccggag	3686
tagacgttgc aataaaggtg gcgaggcggc gtggagagga gcggaaccgt ggtcccgggc	3746
cggggagccc cgagcccgtc cctccccacg ccccgccgcg ctccccccgg accctggtcg	380.6
100	

ctgagcccgg gcgccgctcg gctgcgctat acatagtgta caggagacat cgagtgtatt 3866 tttaatgtcc ccatatttct gtaaactaga aacgcaacgg actcctcgcc acggccgcgc 3926 3986. tctccccgct gcgggcgccc aggaaggcgg agacccggga agccagggtt ccctgcgctc ccgagctgag agccaagtgc tttaaggccg gcgctctcct ttccctttcc tgtccacggc 4046 ccgggcttcc ctctctccc tccagttctt ggcgaacaca ggtgaagccc tgcccggtgc 4106 cttcgtggag gagcaggcgt ctctcctctg ttggcttgcc gcctgctccc cctgtcccgt 4166 4226 ggctcctcgc caaagactga atttgtggag ctggagggca caccctcccc actttccttc 4286 ctgggacagg tgaggggcca atgccagtct aggggccgac tcacaggagg cctcgcgcag cctcttggtc cccactctgc aagtcctgcc tggggaccca gccccctgg tggttctggg 4346 gcggagcttt gctgcctagc agcaagtcct tagttactgt ctccagatac caggacctgg 4406 agtagggaat ggagtcatat gggttcagtt gttcctggcg cttctctgcc ccctgctccc 4466 cctctccccc tctcgtagga cacaaggact ttggctttct taactcatcc ttggcgcttc 4586 cgctccacca cgcccacctg tggggaggag ccctcagccc tagagaggcg tttggctggt teeetteece cagggeacgt tactaagagg acaggeactg catgeteett taagegeeet 4646 ctgggactgg gtacagtgcc tccagcccca gggccctggt ctgcgcacct agttagacat 4706 cattgcccac tccagggcca gggccactag ctgacctcac cacctttttc cttgagccca 4766 4826 aggcagagag agctgcagct ggtgccatct agacaggctc aagtgtggcc agtggcaggg ctcgagggcc actgccctgt tgcttggctc aggacctctc tgagatttga tggggactgg atattettee aggtagtage cateaagteg gaagtgttgg acceaggace tgacatteet 4.946 5006 tcaagactgc cctcccttgc tgtggttttg ccttttgggg caagagaggg gctgggcaaa 5066 cggggaggag gcagtatcaa caccgattag ggaaccaaag ttgcactacc tgggcccagc 5126 ctctggttgg caagagcaaa gtttctgttg atgaaaacaa acagcccaca acaacacccc 5186 ccccccgtt ttctgtgctc catgtgcaat atttgttatg aaccttgtgt cgttcaagtc 5246 acctttataa tcactgtagc tagatgttcc atgtccatcc aggtgacttt actctgagtg 5306 caatatttca atagcctggt agtgagaaga gtgttgcttt tgtttcagcc gacctatgtg .5366 cagggcaatg caatgcagtc caaaaccctt gtaaatagga gaggttgcaa gccaaatcaa 5426 gagtatttat cgttattact attattatta ggcctgcctt taattttagt gtttcggtat 5486 ttcgcatcct gcctcggtat tgatcgtgtg ttctctgtgc caatatgcaa aggagaggat

C	cagt	tctt	itc c	ttta	actgt	t ga	atgo	tccc	att	tact	gct	ttaa	ggct	tt t	cacto	tgtt	2
ć	attt	ttta	aga t	acct	gtct	g		•	. •			·			·.		•
<	<212	.> : !> !	1116 PRT	ıs no	orveg	jicus				. ,		· .					
<	<400)> (6		·		•	•		· . · · · · · · · · · · · · · · · · · ·			٠		·	٠	
1	Met L	Leu	Asn	Asn	Leu 5	Thr	Asp	Cys	Glu	Asp	Gly	Asp	Gly	Gly	Ala 15	Asn	
]	Pro	Gly	Asp	Gly 20	Asn	Pro	Lys		Ser 25	Ser	Pro	Phe	Ile	Asn 30	Ser	Thr	
1	qaA	Thr	Glu 35	Lys	Gly	Arg	Glu	Tyr 40	Asp	Gly	Arg	Asn	Met 45	Ala	Leu	Phe	;
(Glu	Glu 50	Glu	Met	Asp	Thr	Ser 55	Pro	Met	Val		Ser 60	Leu	Leu	Ser	Gly	• .
	Leu 65	Ala	Asn	Ťyr		Asn 70	Leu	Pro			Ser 75	Lys	Glu	His	Glu	Glu 80	
	Ala	Glu	Asn	Asn	Glu 85	Gly	Gly	Lys	Lys	Lys 90	Pro	Val	Gln	Ala	Pro 95	Arg	•
]	Met	Gly	Thr	Phe 100		Gly	Val	_	Leu 105	Pro	Cys	Leu	Gln	Asn 110		Phe	
(Gly	Val	Ile 115	Leu	Phe	Leu	Arg	Leu 120	Thr	Trp	Val	Val	Gly 125	Ile	Ala	Gly	٠ .
	Ile	Met 130		Ser	Phe	Cys	Met 135	-	Phe	Ile	Cys	Cys 140		Cys	Thr	Met	
	Leu 145	Thr	Ala	Ile	Ser	Met 150		Ala		_		Asn	Gly	Val		Pro 160	
	Ala	Gly	Gly	Ser	Tyr 165	_	Met	Ile	Ser	Arg 170	Ser	Leu	Gly	•	Glu 175	Phe	
	Gly	Gly	Ala	Val	Gly	Leu	Cys	Phe	Tyr	Leü	Gly	Thr	Thr	Phe	Ala	Gly	

							•								
Ala	Met	Tyr 195	Ile	Leu	Gly	Thr	11e 200		Ile	Leu		Ala 205		Leu	Phe
Pro	Ala 210	Met	Ala	Ile	Phe	Lys 215		Glu	Asp	Ala	Ser 220		Glu	Ala	Ala
Ala 225	Met	Leu	Asn	Asn	Met 230	Arg	Val	Týr	Gly	Thr 235		Val	Leu	Thr	Cys 240
Met	Ala	Thr	Val	Val 245	Phe	Val	Gly	Val	Lys 250	Tyr	Val	Asn	•	Phe 255	Ala
Leu	Val	Phe	Leu 260	Gly	Cys	Val	Ile	Leu 265	Ser	Ile	Leu	Ala	Ile 270	Tyr	Ala
Gly	Val	Ile 275	.Lys	Ser	Ala	Phe	Asp 280		Pro	Asn	Phe	Pro 285	Ile	Cys	Leu
Leu	Gly 290	Asn	Arg	Thr		Ser 295		His	Gly	Phe	Asp 300		Cys	Ala	Lys
Leu 305	Ala	Trp	Glu	Gly	Asn	Glu	Thr	Val	Thr	Thr 315		Leu	Trp	Gly	Leu 320
Phe	Cys	Ser	Ser	Arg 325	Leu	Leu	Asn	Ala				Glu	Tyr		Thr
Arg	Asn	Asn	Val		Glu	Ile	Gln	Gly	330 Ile	Pro	Gly	Ala	Ala	335 Ser	Gly
Leu	Ile	Lys	340 Glu	Asn	Leu	Trp	Ser	345 Ser	Tvr	Leu	Thr	Lvs	350 G1 v	Val	Ile
		355				· .	360	•	• •			365			Pro
	370			.·		375					380	•			
385		·			390					395	,		. ·		Phe 400
Thr	Leu	Leu	Val	Gly 405	Ile	Tyr	Phe	Pro	Ser 410	Val	Thr	Gly	Ile	Met 415	Ala

				٠ .				-			···							•
				·							: :	٠.		• .	•		•	
				•	·					· · :				• .				• • • • • • • • • • • • • • • • • • •
		٠			·	•	٠.	· ·	•		•	•			•		· ·	
	Gly	Ser	Asn	Arg 420				Leu			Āla	Gln		Ser 430	Iļe	Pro		
	m)	0 3				7 .				• •							· · · ·	
	Thr	GIÀ	Thr 435	lle	Leu	Ala	•	A1a 440	Thr	Thr	Ser		V.a.1 445	. –	Ile	Ser	· ·	
	Ser	Val	Val	Leu	Phe	Glv	Ala	Cvs	Ile	Glu	Glv	Val	Val	Leu	Arg	Asp		
		450					455			•		460				•		
	Lys	Phe	Gly	Glu	Ala	Val	Asn	Gly	Àsn	Leu	Val	Val	Gly	Thr	Leu	Ala		
	465		- 4			470					475	• .	, * .			480	• .	
	Trp	Pro	Ser	Pro	Trp	Val	Ile	Val	Ile	Gly	Ser	Phe	Phe	Ser	Thr	Cys	·.	
-					485					490		,		· · · · · ·	495			•
	Gly	Ala	Gly	Leu 500		Ser	Leu	Thr	Gly 505	Ala	Pro	Arg	Leu	Leu 510	Gln	Ala		•
								-					· · · .				• .	
	Ile	Ser	Arg 515	Asp	Gly	Ile		Pro 520	Phe	Leu	Gln	Val	Phe 525	Gly	His	Gly		
							· .				. •	· ·	. ·		• •			
	Lys	Ala 530		Gly	Glu	Pro	Thr 535	Trp	Ala	Leu	Leu	Leu 540	Thr	Ala	Cys	lle		
									· :.					, .				
	Cys 545	Glu	Ile	Gly	Ile:	Leu 550	•	Ala	Ser	Leu	Asp 555		Val	Ala	Pro	Ile 560		
		~		5 1	~1	_				,			•				• •	
	Leu	Ser	Met	Phe				Cys		Met 570		Val	Asn	Leu	Ala 575	Cys	•	
	Δla	Val	Gln	Thr	T.e.i	T.e.i	Δrα	Thr	Pro	Δsn	· Ψrn	Ara	Pro	Ara	Phe	Ara		
	AIG	vai	OIII	580				1111		71011	•			590				
	Ф		11 å		mb	T	C	Dh -	T	C1	Mak	C	T		T	n 1 _		
	Tyr	TYI.	595	-	· Int	ьeu		600		GTÀ	мес		605	_	Leu	Ala		·
							·	•	·		· · .			· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	· <u> </u>		··. ·	·
	Leu	Met 610		Ile	Cys	Ser	Trp 615		Tyr	Ala	Leu	Val 620	` .	Met	Leu	TTe		
		~3	; •		***	•			~ 3						•	· 63		
	A1a 625		ьeu	TIE	туr	ьуs 630		тте	GLU	ryr	Arg. 635		ATa	. GLU	Lys	640	· .	· .

				•	•			•				. •	•				•	:				
				٠	: .			•	. :					. · ·	•		•••				•	•
						•	•							•		• • •						
	Trp	Glv	Asn	Glv	T.le	Ara	.Ģly	Len	Ser	T.e.n	Ser.	Δla	 121 a	Ara	Туг	Δ1 a.						
	125	O ₊ y	nop	·	645	9	. Y L Y	LCu	JCI.	650		ATO.	TIG	,ALG	6.55.							
					•	•			•													
	Leu	Leu		•	_	Glu	Gly	Pro			Thr	Lys	Asn	Trṗ	Arg	Pro	• • • • • • • • • • • • • • • • • • • •					
			•	660	•	•••	• •		665	•	0.	•		670 ⁻	•	•		•	•		•	
	- 1	_	_		_	•				•	; 			· ·.				•	•		•	
	Gin	Leu	Leu 675		Leu	Val	Arg	Val 680	Asp	Gln	Asp	Gln	Asn 685	Val	Val	His	•					
		•	•	•		•	· . ·	•						•	•			•				
	Pro	Gln	: Leu	Leu	Ser	Leu	Thr	Ser	Gln	Leu	Lys	Ala	Gly	Lvs	Glý	Leu		•				
		690					695				:	700				,	. .					
		•							•••		.•				••	.•	· .					
		Ile	Val	Gly	Ser		Leu	Glu	Gly	Thr		Leu	Asp	Asn	His				· :			
	705		,			710			•		715			· · . ·		720			•			
	Gln	λ 1 - 2	Gln	Λrα	Λla	Glu	Glu	Sor	Tla) ~ ~		Ton	Mot	Clu	71 ~	C1.,	· ·					
	GIII	VIG	GIII	rrg	725		Glu	Ser	. 116	730		neu	. Mer		735	GIU	•					
									•		:			•		· . ·						
	Lys	Val	Lys		Phe	Cys	Gln	Val	Val	Île	Ser	Ser	Asn	Leu	Arg	Asp		· ·				
•		•		740	•				745		·	· .·		750			•• .	. :				
					_	_ •	· .	: -					· _							• •		
	Gly	Val	Ser 755		Leu		Gln	Ser 7.60	Gly	Gly	Leu		Gly 765		Gln	His	•					
				٠.			•		· · · ·						· :			٠				
	Asn	Thr	Val	Leu	Val	Gly	Trp	Pro	Arg	Asn	Trp	Arg	Gln	Lys	Glu	Asp						·
		770					775				_	780		- ·.		-	•					
				•						٠.			•			•				•		
	His 785	Gln	Thr	Trp	Arg	Asn 790	Phe	Ile	Glu	Leu	Vál 795	_	Glu	Thr		Ala 800		. •				
	705					, 50								. ·		800	' . . ·					
	Glv	His	Ten	Ala	Leu	Ten	Val	Thr	Tivs	Asn	Val	Ser	Met	Phe	Pro	: G1v	· ·					
	021		200		805					810	V CL		,		815	· .						
			٠.							•				•	·	•	•					
	Asn	Pro	Glu			Ser	Glu	Gly		Ile	Asp	Val	Trp	_	Ile	Val	•				• .•	
				820	•		•.	· .	825			•		830		· .			٠.		•	
		_						_		<u>.</u>		· · ·		• .		••				-		
	His	Asp	61y 835	GIY	Met	Leu	Met	Leu 840	•	Pro	Phe	Leu	Leu 845	Arg	His	His	· :				•	
								-		· ·		·	- -								•	
	Lys	Val	Trp	Ara	Lys	Cvs	Lys	Met	Ara	Ile	Phe	Thr	Val	Ala	Gln	Met						
	4 -	850		כ	4 -	. 1-	855		- , ∋ ·	_ 		860	-, 									

Asp Asp Asn Ser Ile Gln Met Lys Lys Asp Leu Thr Thr Phe Leu Tyr 865 870 875 880 His Leu Arg Ile Thr Ala Glu Val Glu Val Val Glu Met His Glu Ser 885 895 Asp Iie Ser Ala Tyr Thr Tyr Glu Lys Thr Leu Val Met Glu Gln Arg 900 905 925 Asp Iie Ser Ala Tyr Thr Tyr Glu Lys Thr Leu Val Met Glu Gln Arg 910 915 Ser Gln Ile Leu Lys Gln Met His Leu Thr Lys Asn Glu Arg Glu Arg 910 925 Glu Ile Gln Ser Ile Thr Asp Glu Ser Arg Gly Ser Ile Arg Arg Lys 930 935 Asn Pro Ala Asn Thr Arg Leu Arg Leu Asn Val Pro Glu Glu Thr Ala 950 955 960 Cys Asp Asn Glu Glu Lys Pro Glu Glu Glu Val Gln Leu Ile His Asp 965 970 Gln Ser Ala Pro Ser Cys Pro Ser Ser Ser Pro Ser Pro Gly Glu Glu 980 Pro Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val His Leu Thr Trp 995 1000 1015 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Cly Pro Ser Pro 1010 1025 Thy Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met His Thr Ala 1040 1055 Try Glu Asn Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys 1055 1065 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1075 Asp Glu Asn Tyr Met Glu Phe Leu Glu Val Leu Thr Glu Gln Leu
His Leu Arg Ile Thr Ala Glu Val Glu Val Val Glu Met His Glu Ser 890 Asp Ile Ser Ala Tyr Thr Tyr Glu Lys Thr Leu Val Met Glu Gln Arg 900 Ser Gln Ile Leu Lys Gln Met ### Lys Asn Glu Arg Glu Arg 915 Ser Gln Ile Leu Lys Gln Met ### Lys Asn Glu Arg Glu Arg 915 Glu Ile Gln Ser Ile Thr Asp Glu Ser Arg Gly Ser Ile Arg Arg Lys 930 Asn Pro Ala Asn Thr Arg Leu Arg Leu Asn Val Pro Glu Glu Thr Ala 945 Cys Asp Asn Glu Glu Lys Pro Glu Glu Glu Val Gln Leu Ile ### Asp 965 Gln Ser Ala Pro Ser Cys Pro Ser Ser Ser Pro Ser Pro Gly Glu Glu Glu 980 Pro Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val ### Leu Thr Trp 1005 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro 1010 Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met ### Lys Thr Ala 1040 Val Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys 1055 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070
Asp Ile Ser Ala Tyr Thr Tyr Glu Lys Thr Leu Val Met Glu Gln Arg 900 905 905 910 Ser Gln Ile Leu Lys Gln Met His Leu Thr Lys Asn Glu Arg Glu Arg 915 920 925 Glu Ile Gln Ser Ile Thr Asp Glu Ser Arg Gly Ser Ile Arg Arg Lys 930 940 Asn Pro Ala Asn Thr Arg Leu Arg Leu Asn Val Pro Glu Glu Thr Ala 945 950 960 Cys Asp Asn Glu Glu Lys Pro Glu Glu Glu Val Gln Leu Ile His Asp 965 970 975 Gln Ser Ala Pro Ser Cys Pro Ser Ser Ser Pro Ser Pro Gly Glu Glu 980 985 990 Pro Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val His Leu Thr Trp 1000 1015 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro Glu 1025 Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met His Thr Ala 1040 1045 1055 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1075
Ser Gln Ile Leu Lys Gln Met His Leu Thr Lys Asn Glu Arg Glu Arg 915 Glu Ile Gln Ser Ile Thr Asp Glu Ser Arg Gly Ser Ile Arg Arg Lys 930 940 Asn Pro Ala Asn Thr Arg Leu Arg Leu Asn Val Pro Glu Glu Thr Ala 950 960 Cys Asp Asn Glu Glu Lys Pro Glu Glu Glu Val Gln Leu Ile His Asp 965 975 Gln Ser Ala Pro Ser Cys Pro Ser Ser Ser Pro Ser Pro Gly Glu Glu 990 Pro Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val His Leu Thr Trp 1005 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro Glu 1015 1020 Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met His Thr Ala 1040 1045 1065 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1075 1080
915 920 925 Glu Ile Gln Ser Ile Thr Asp Glu Ser Arg Gly Ser Ile Arg Arg Lys 930 935 940 Asn Pro Ala Asn Thr Arg Leu Arg Leu Asn Val Pro Glu Glu Thr Ala 945 950 955 960 Cys Asp Asn Glu Glu Lys Pro Glu Glu Glu Val Gln Leu Ile His Asp 965 970 975 Gln Ser Ala Pro Ser Cys Pro Ser Ser Ser Pro Ser Pro Gly Glu Glu 980 985 990 Pro Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val His Leu Thr Trp 1000 1005 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro 1010 1020 Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 1030 1035 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met His Thr Ala 1040 1045 1065 Leu Val Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys 1055 1060 1075 1080
Asn Pro Ala Asn Thr Arg Leu Arg Leu Asn Val Pro Glu Glu Thr Ala 945 950 955 960 Cys Asp Asn Glu Glu Lys Pro Glu Glu Glu Val Gln Leu Ile His Asp 965 970 975 Gln Ser Ala Pro Ser Cys Pro Ser Ser Ser Pro Ser Pro Gly Glu Glu 980 985 990 Pro Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val His Leu Thr Trp 995 1000 1005 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro 1010 1020 Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 1030 1035 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met His Thr Ala 1040 1045 1055 Val Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys 1055 1060 1060 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1075 1080
945 950 955 960 Cys Asp Asn Glu Glu Lys Pro Glu Glu Glu Val Gln Leu Ile His Asp 965 977 Gln Ser Ala Pro Ser Cys Pro Ser Ser Ser Pro Ser Pro Gly Glu Glu 980 985 990 Pro Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val His Leu Thr Trp 1000 1005 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro 1010 1015 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro 1020 Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met His Thr Ala 1040 1045 Val Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys 1055 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1075
965 970 975 Gln Ser Ala Pro Ser Cys Pro Ser Ser Ser Pro Ser Pro Gly Glu Glu 980 985 990 Pro Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val His Leu Thr Trp 995 1000 1005 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro 1010 1015 1020 Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met His Thr Ala 1040 1045 1050 Val Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys 1055 1060 1065 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1075 1080
Pro Glu Gly Glu Gly Glu Thr Asp Pro Glu Lys Val His Leu Thr Trp 995 1000 1005 Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro 1010 1025 Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met 1050 Val Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys 1055 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 Tro Glu Lys Asn Gly 1075 Respondent to the Tro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070
Thr Lys Asp Lys Ser Ala Ala Gln Lys Asn Lys Gly Pro Ser Pro 1010 Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met 1050 Val Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg 1055 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1080
Val Ser Ser Glu Gly Ile Lys Asp Phe Phe Ser Met Lys Pro Glu 1025 Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met 1050 Val Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg 1055 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070
Trp Glu Asn Leu Asn Gln Ser Asn Val Arg Arg Met His Thr Ala 1040 Val Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys 1055 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1035 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070
Val Arg Leu Asn Glu Val Ile Val Asn Lys Ser Arg Asp Ala Lys 1055 Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1080
Leu Val Leu Leu Asn Met Pro Gly Pro Pro Arg Asn Arg Asn Gly 1070 1075 1080
1070 1075 1080
Asp Glu Asn Tyr Met Glu Phe Leu Glu Val Leu Thr Glu Gln Leu
·

1090

1095

Asp Arg Val Met Leu Val Arg Gly Gly Gly Arg Glu Val Ile Thr 1100 1105 1110

Ile Tyr Ser 1115

<210> 7

<211> - 20

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> Synthetic oligonucleotide

<400> 7

tctccttggg attgccgtca

20

<210> 8

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial sequence

<220>

<223> Synthetic oligonucleotide

<400> 8

tcttcttgag actgcagtca

2.0